



ML-Modelle zu erstellen, auszuwerten, zu reproduzieren und zu interpretieren ist nicht einfach. julearn ermöglicht es Domänenexperten auch ohne gehobene Programmierkenntnisse, komplexe ML-Pipelines für Neuroimaging Daten zu erstellen. ML- und Neuroimaging Experten können die Bibliothek nichtsdestotrotz leicht erweitern.

Minimales Programmieren: Leichtes Erstellen & Auswerten von Modellen

Komplexes einfach gemacht: Modellevaluation durch Kreuzvalidierung, leichtes Hyperparameter-Tuning

Robust: Verhindert Nutzerfehler wie Verzerrungen durch data-leakage

Offen und etabliert: Baut auf modernsten Bibliotheken auf (z.B. scikit-learn)

Freie und quelloffene Python software, verfügbar für alle Betriebssysteme.

```
> pip install julearn
> conda install -c conda-forge \
julearn
```

code:



docs:



tutorial:

